

Оптимизация ДНК-библиотек. Клинический изолят ZVL. Протоколы без ПЦР.

Семенов А.А., Михайлычева М.В

19 декабря 2023 г.

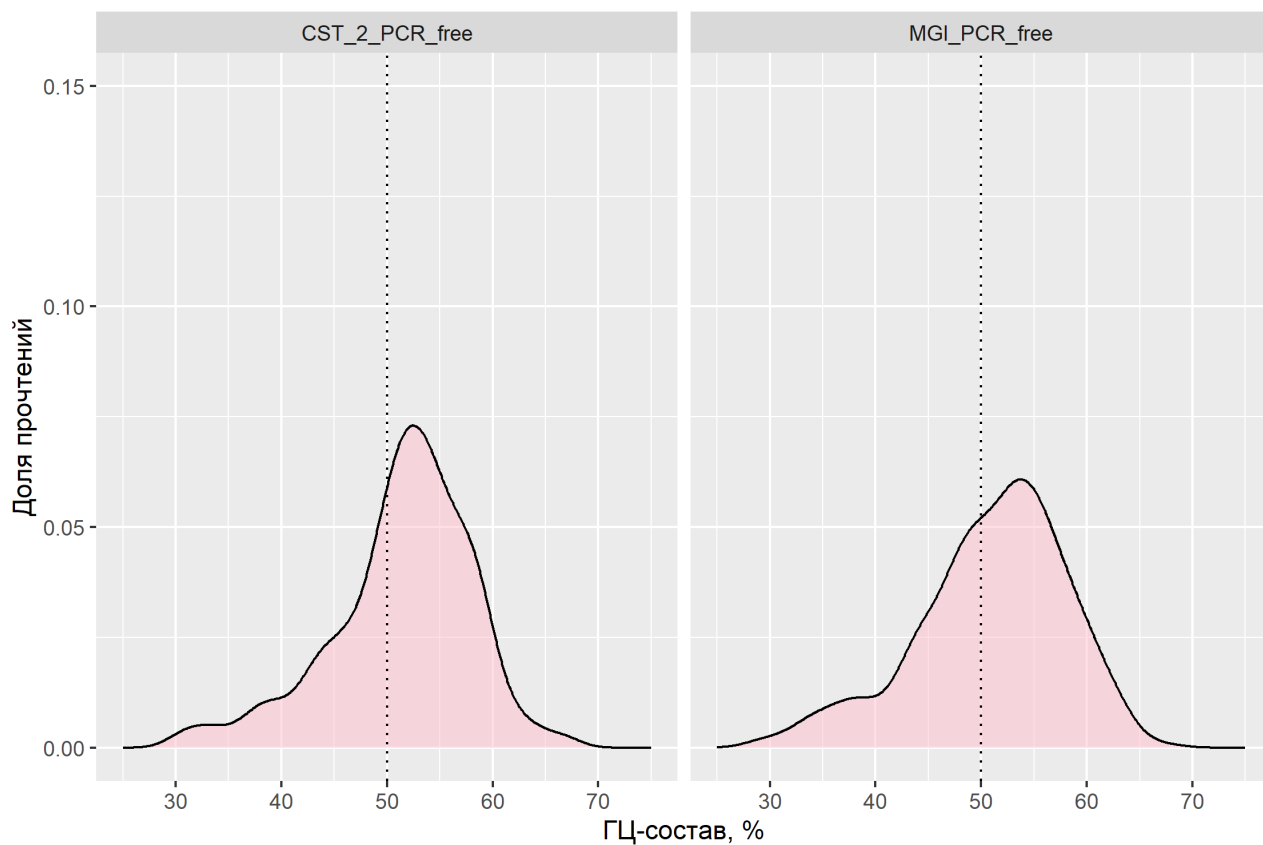


Рис. 1: GC-состав образцов

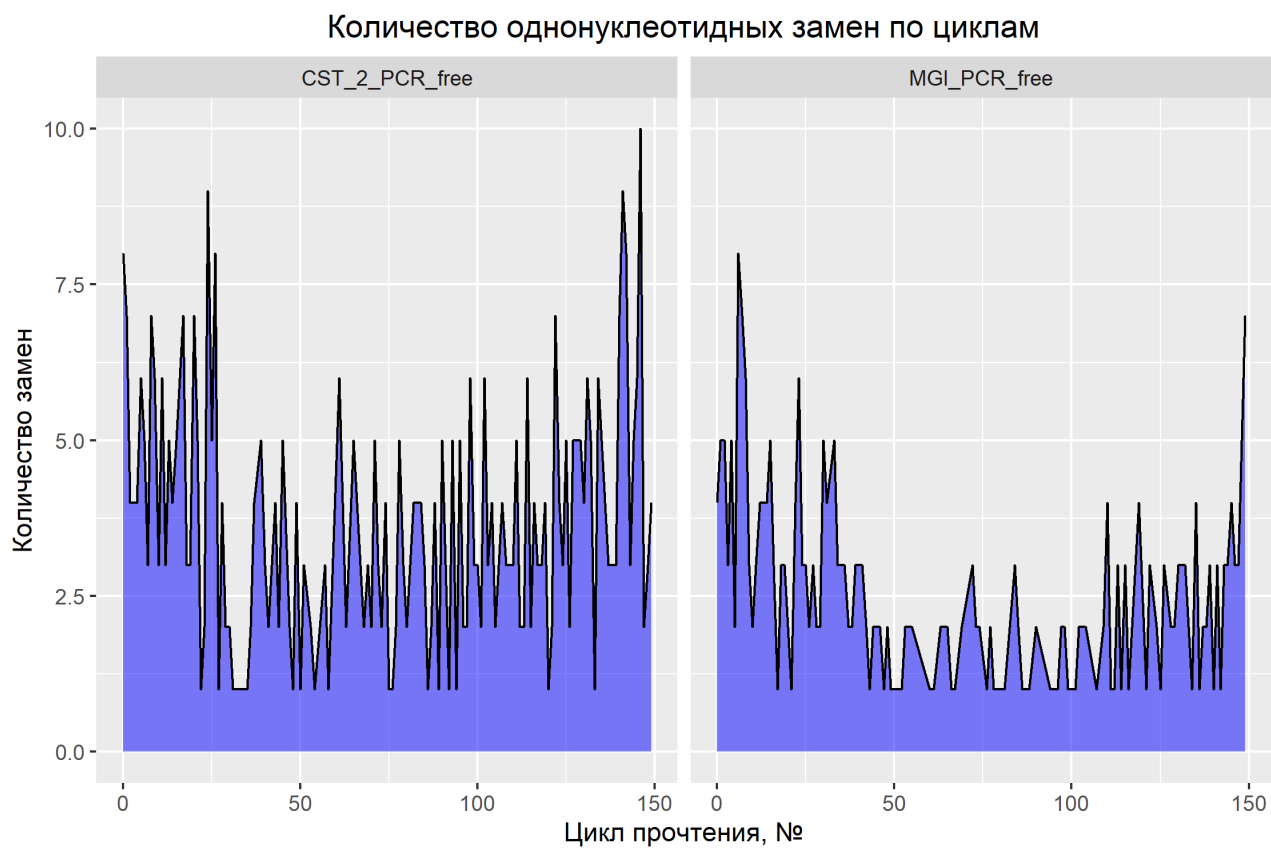


Рис. 2: Количество замен в зависимости от цикла. Все прочтения

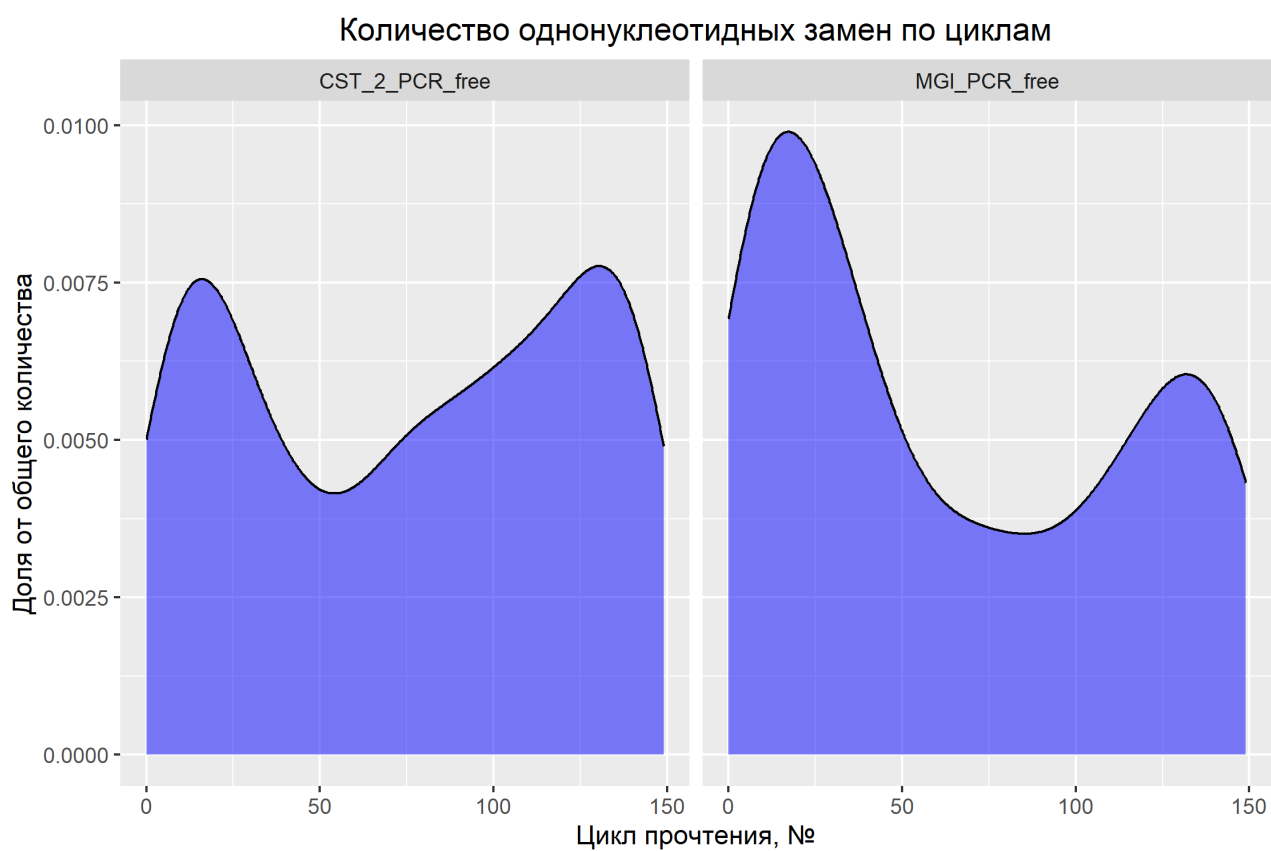


Рис. 3: Количество замен в зависимости от цикла. Плотность

Количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава прочтений

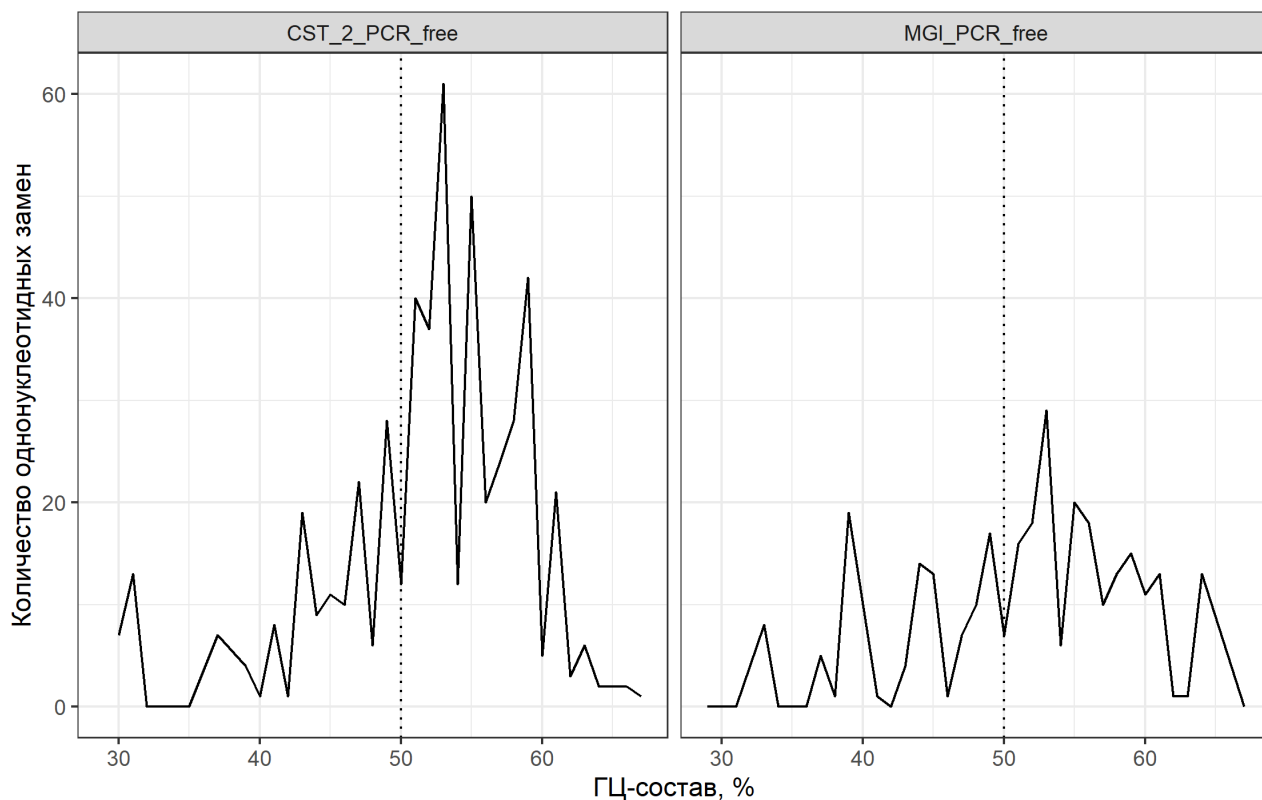


Рис. 4: Количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава

Количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава прочтения

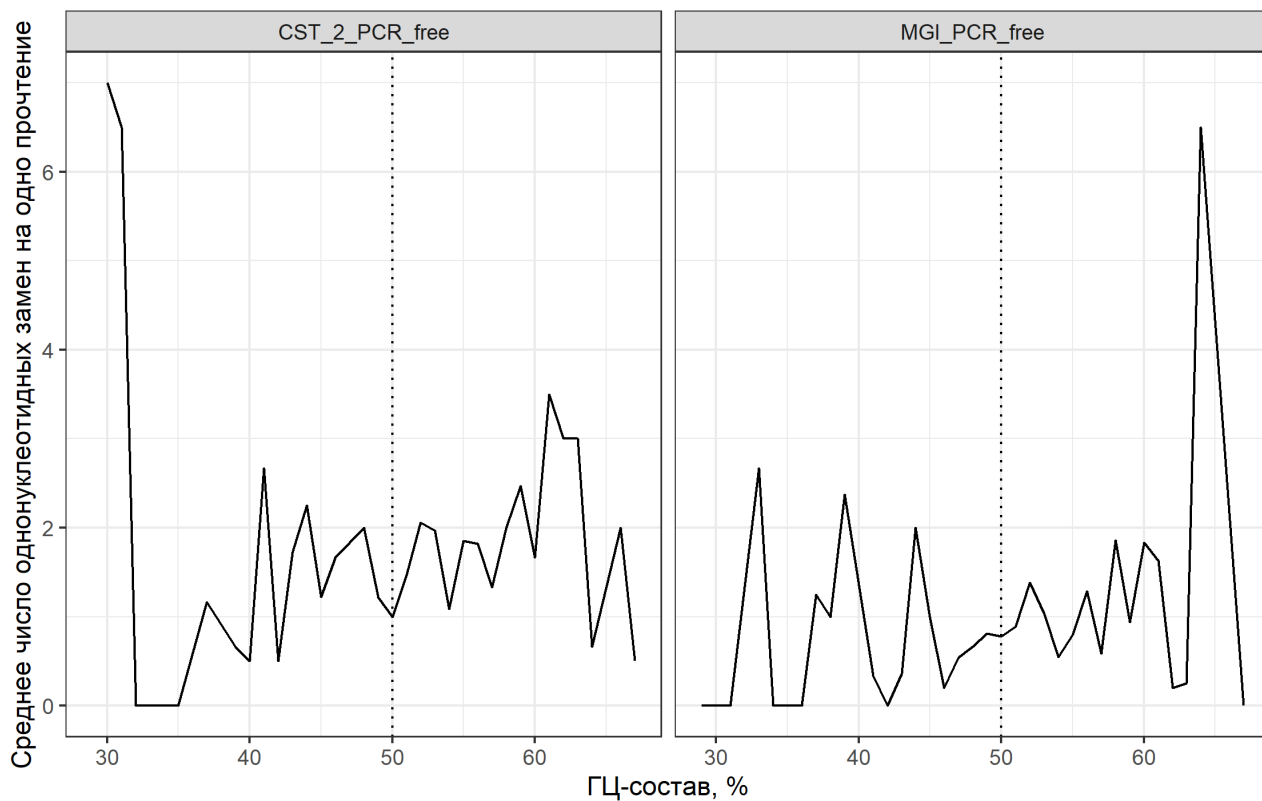


Рис. 5: Среднее количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава

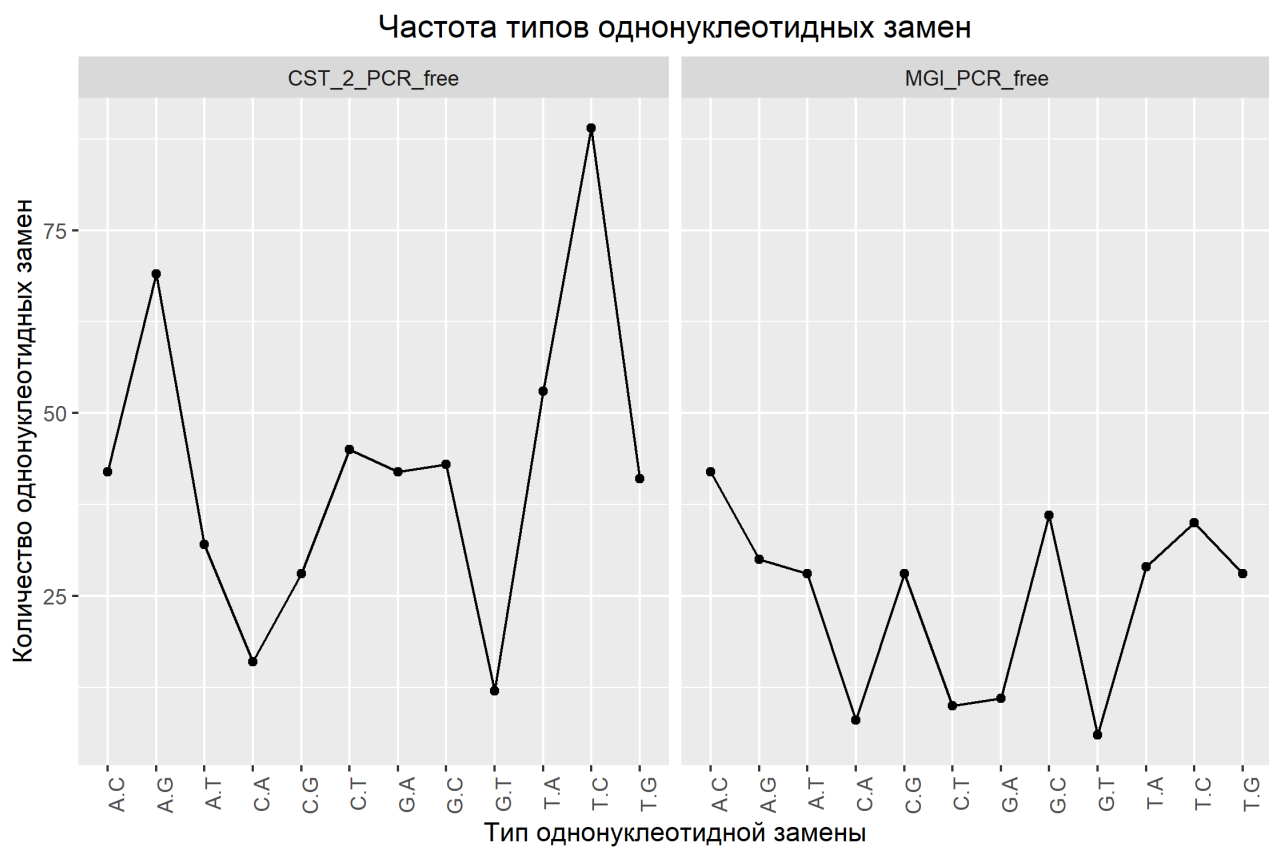


Рис. 6: Количество однонуклеотидных замен по типам

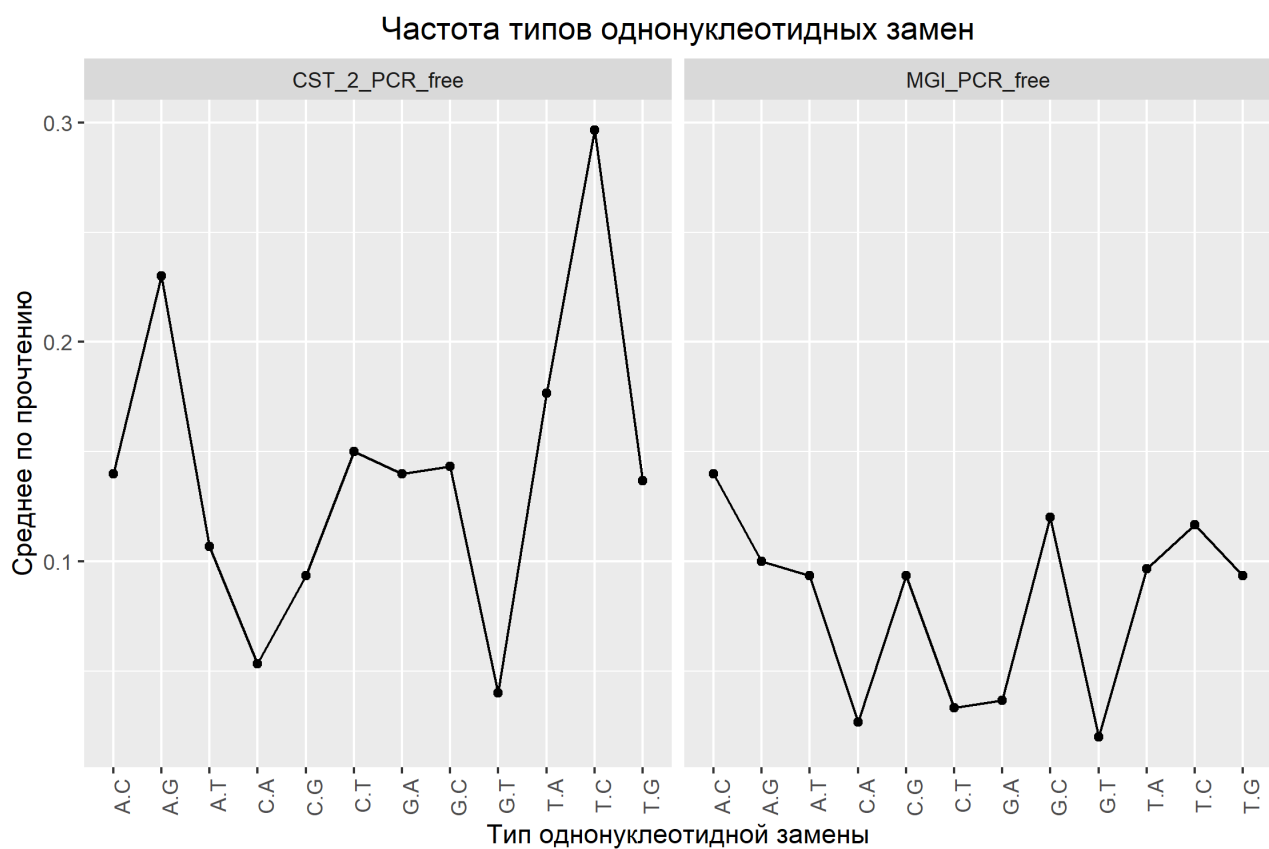


Рис. 7: Количество однонуклеотидных замен по типам. Среднее

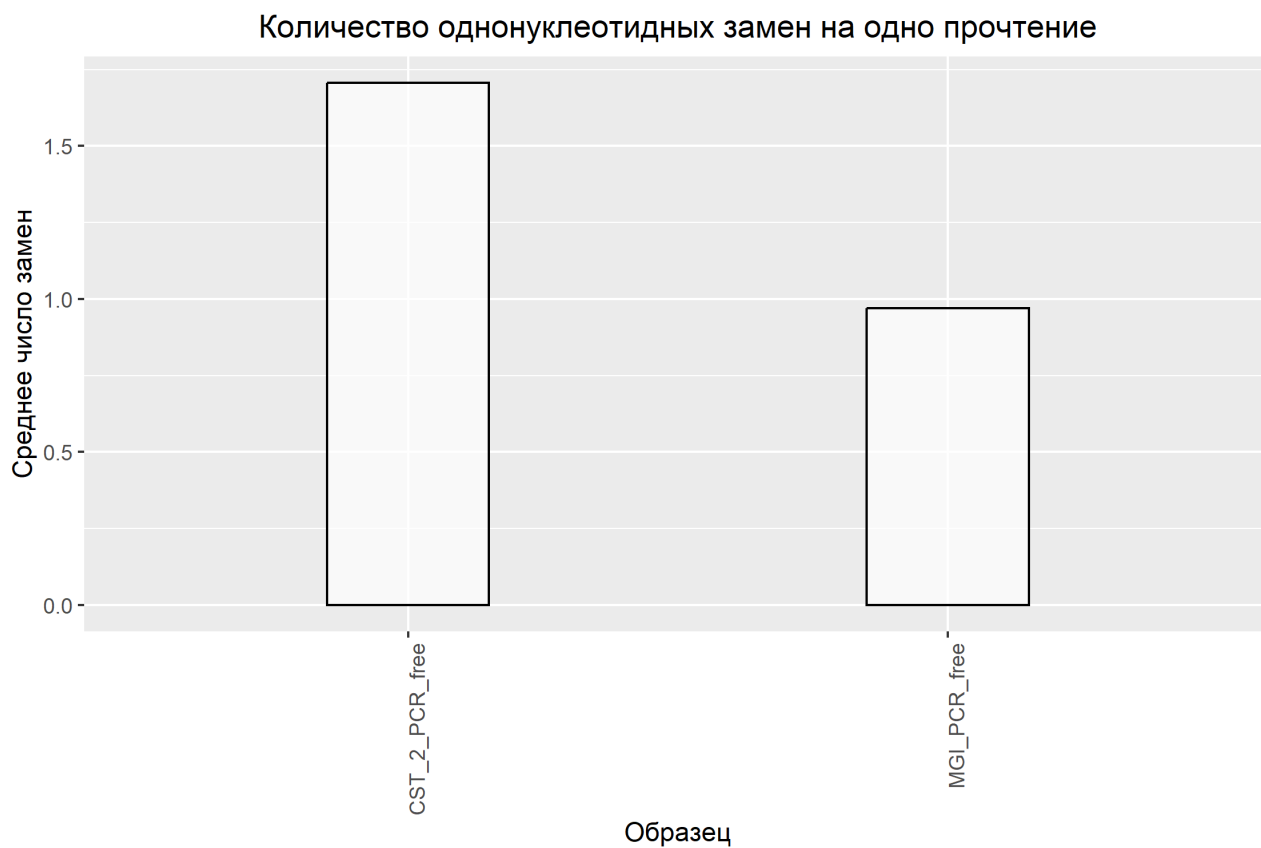


Рис. 8: Количество однонуклеотидных замен по образцам

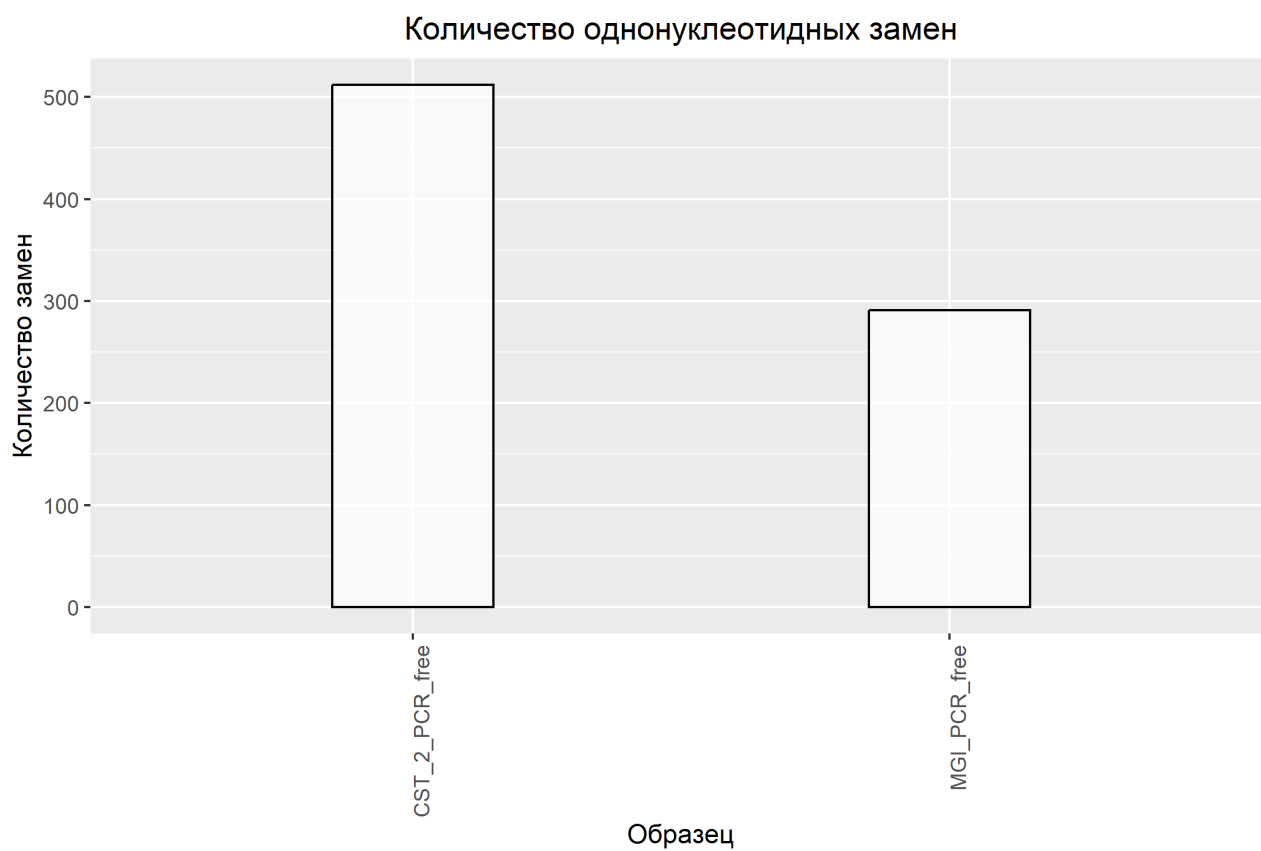


Рис. 9: Среднее количество однонуклеотидных замен по образцам

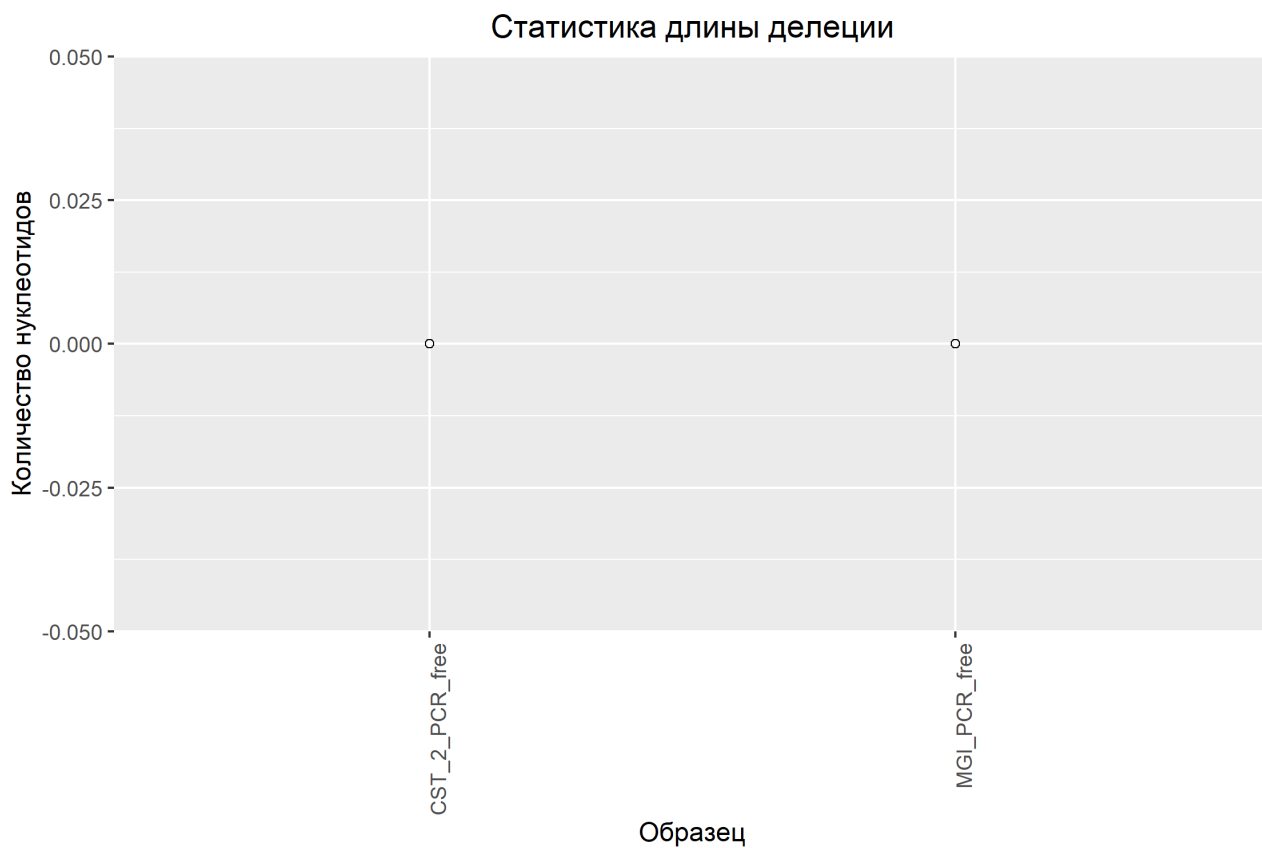


Рис. 10: Длина делеций по образцам

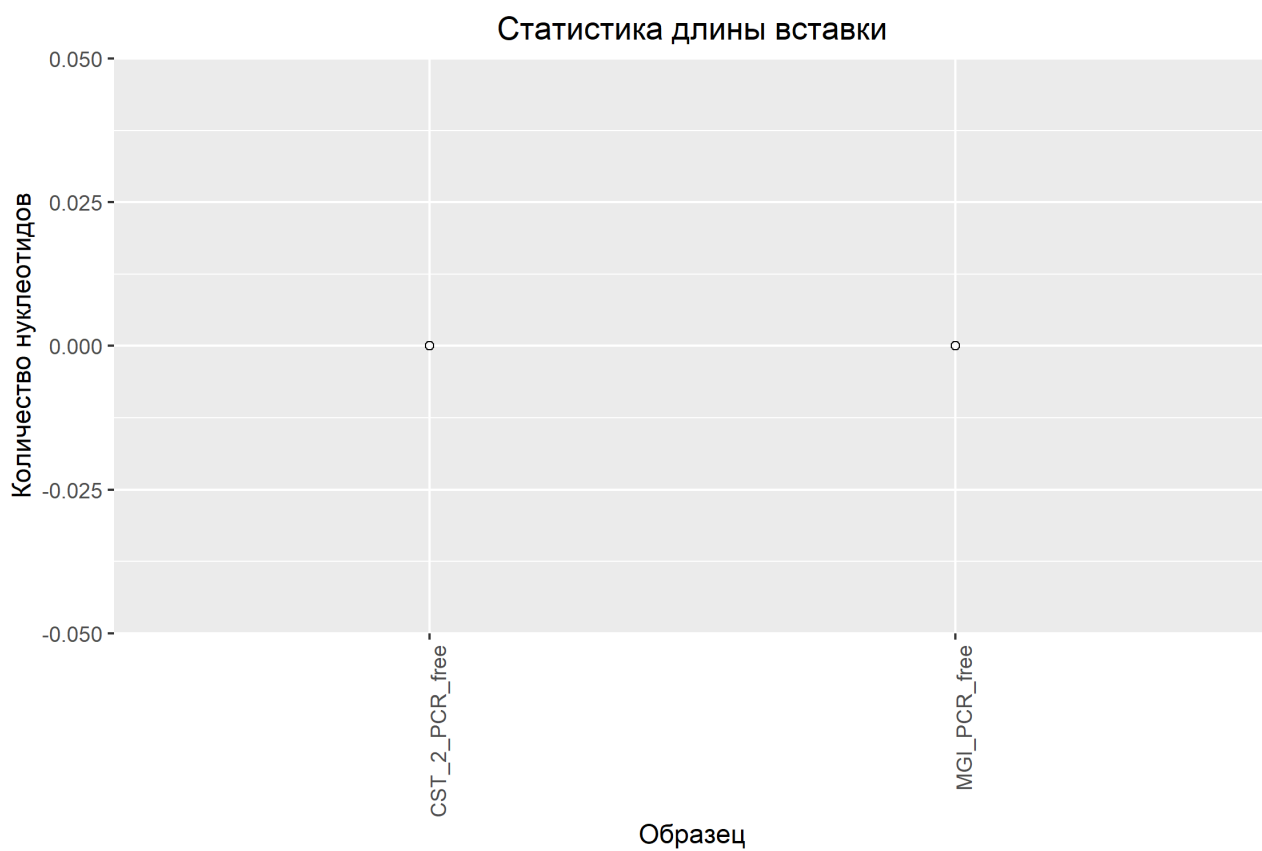


Рис. 11: Длина вставок по образцам



Рис. 12: Количество делеций по образцам



Рис. 13: Количество вставок по образцам