

Оптимизация ДНК-библиотек. Клинический изолят ZVL

Семенов А.А., Михайлычева М.В

19 декабря 2023 г.

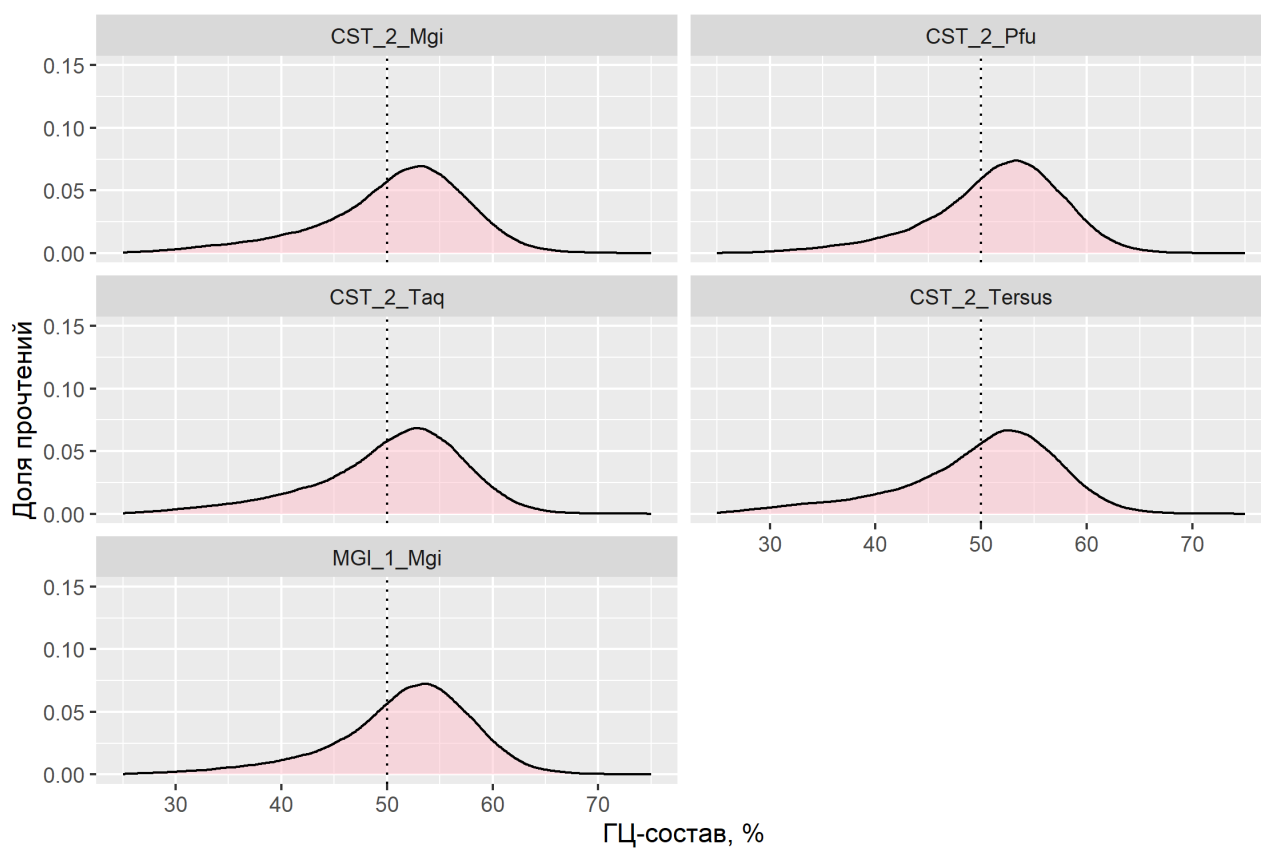


Рис. 1: GC-состав образцов

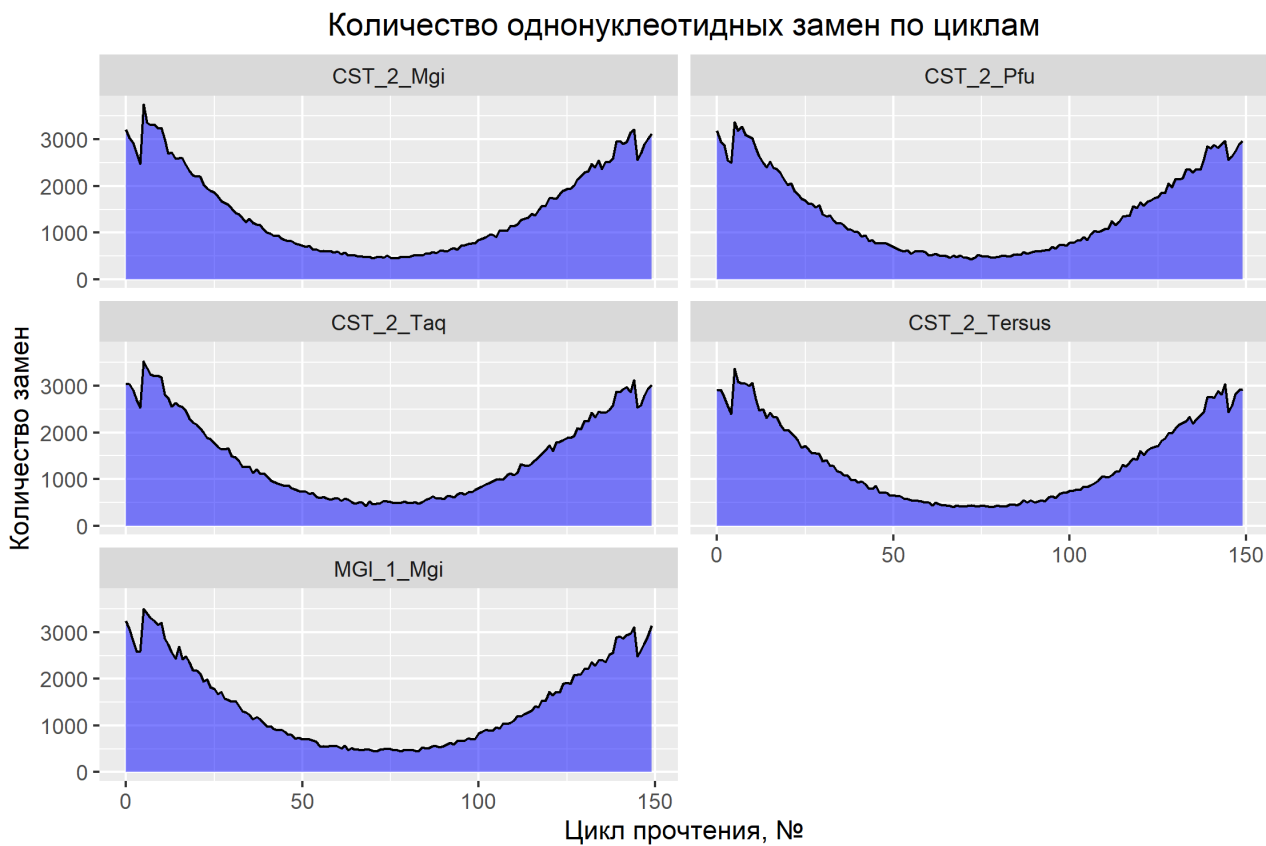


Рис. 2: Количество замен в зависимости от цикла. Все прочтения

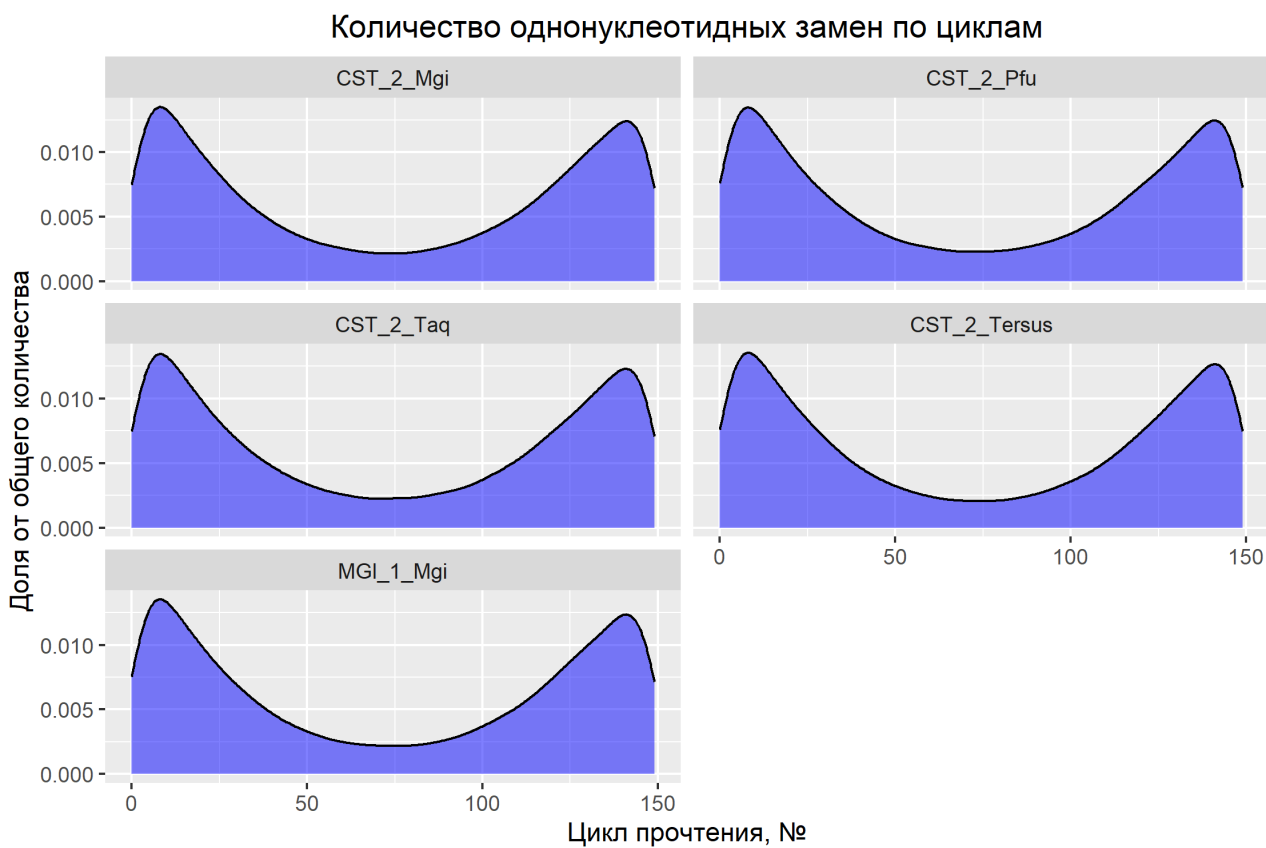


Рис. 3: Количество замен в зависимости от цикла. Плотность

Количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава прочтений

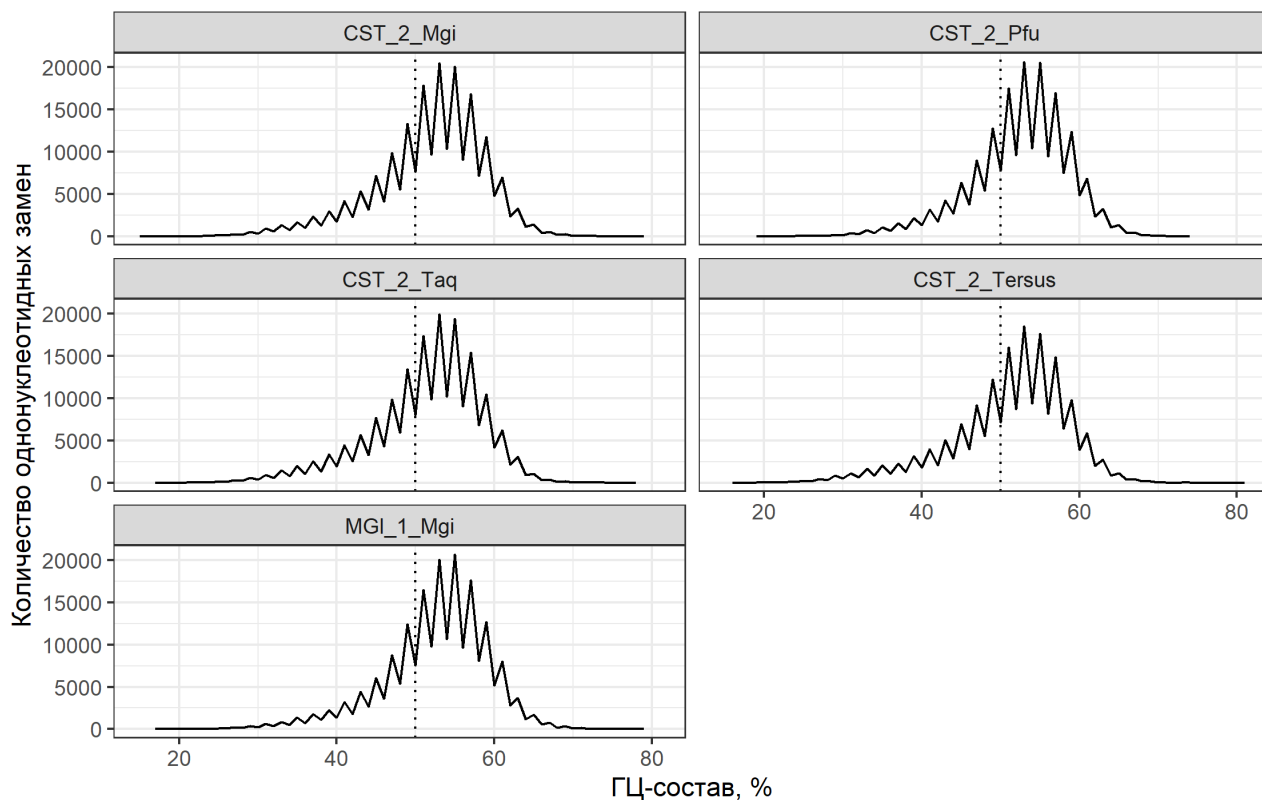


Рис. 4: Количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава

Количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава прочтения

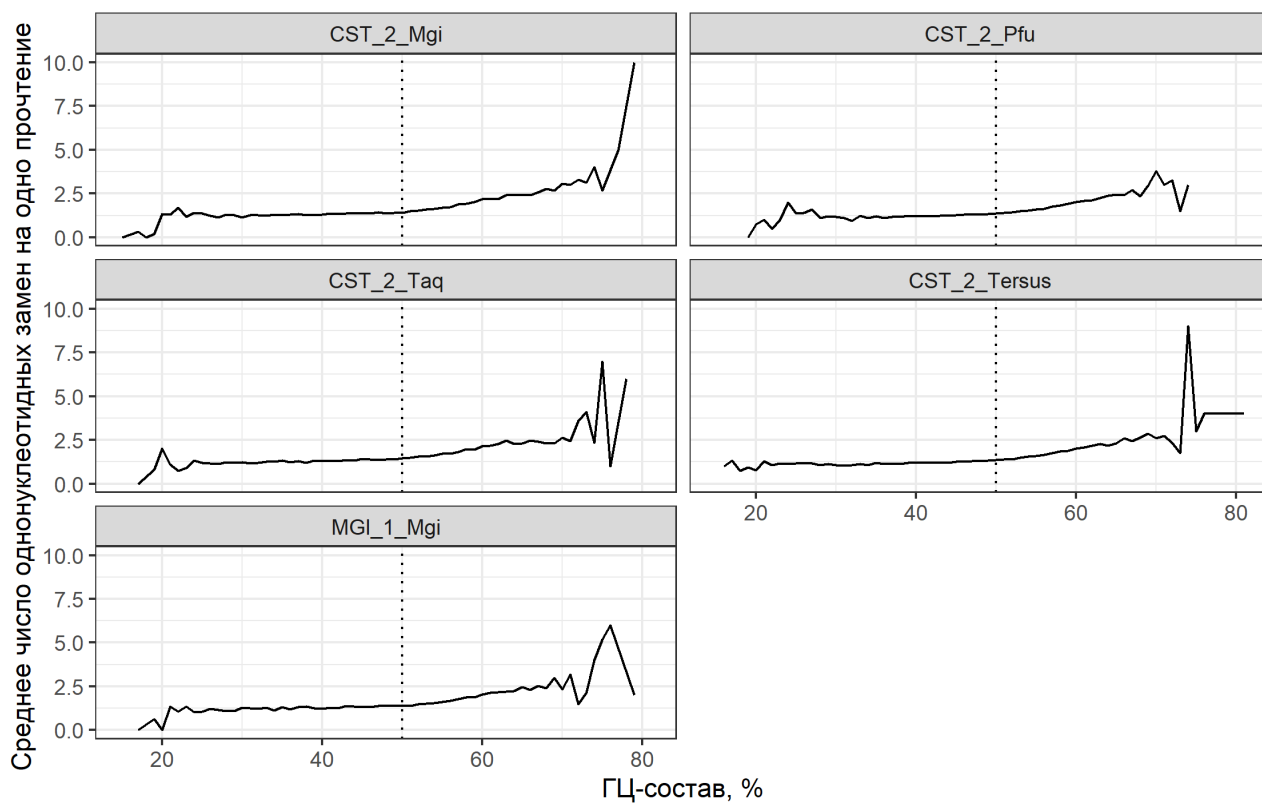


Рис. 5: Среднее количество однонуклеотидных замен в зависимости от ГЦ-состава

Частота типов однонуклеотидных замен

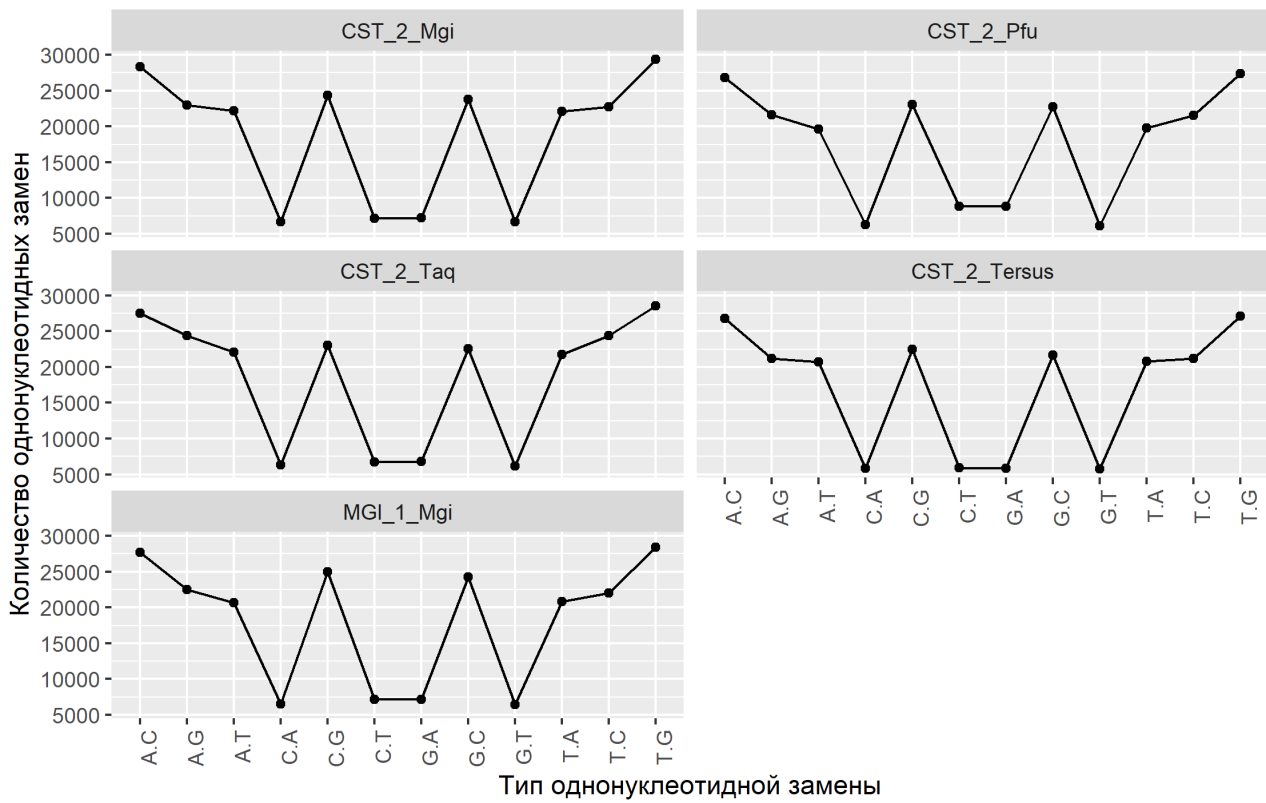


Рис. 6: Количество однонуклеотидных замен по типам

Частота типов однонуклеотидных замен

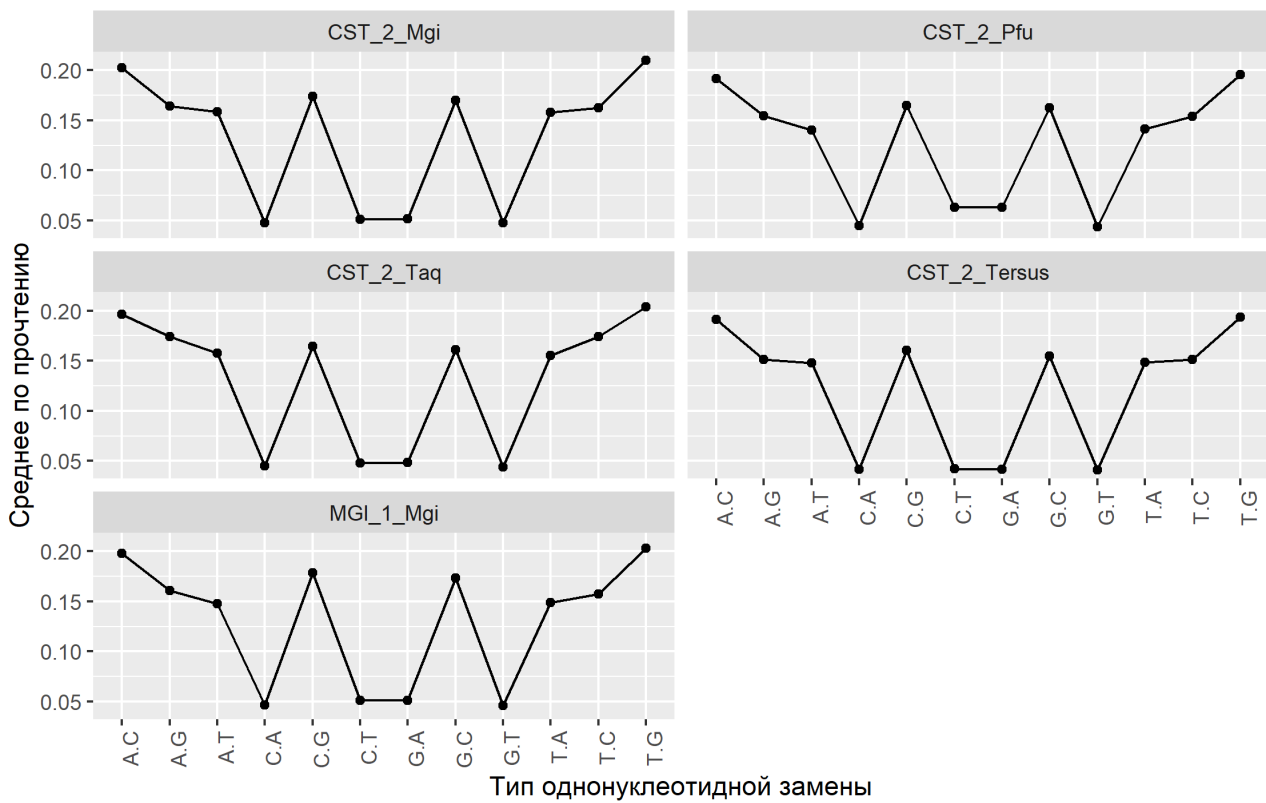


Рис. 7: Количество однонуклеотидных замен по типам. Среднее



Рис. 8: Количество однонуклеотидных замен по образцам

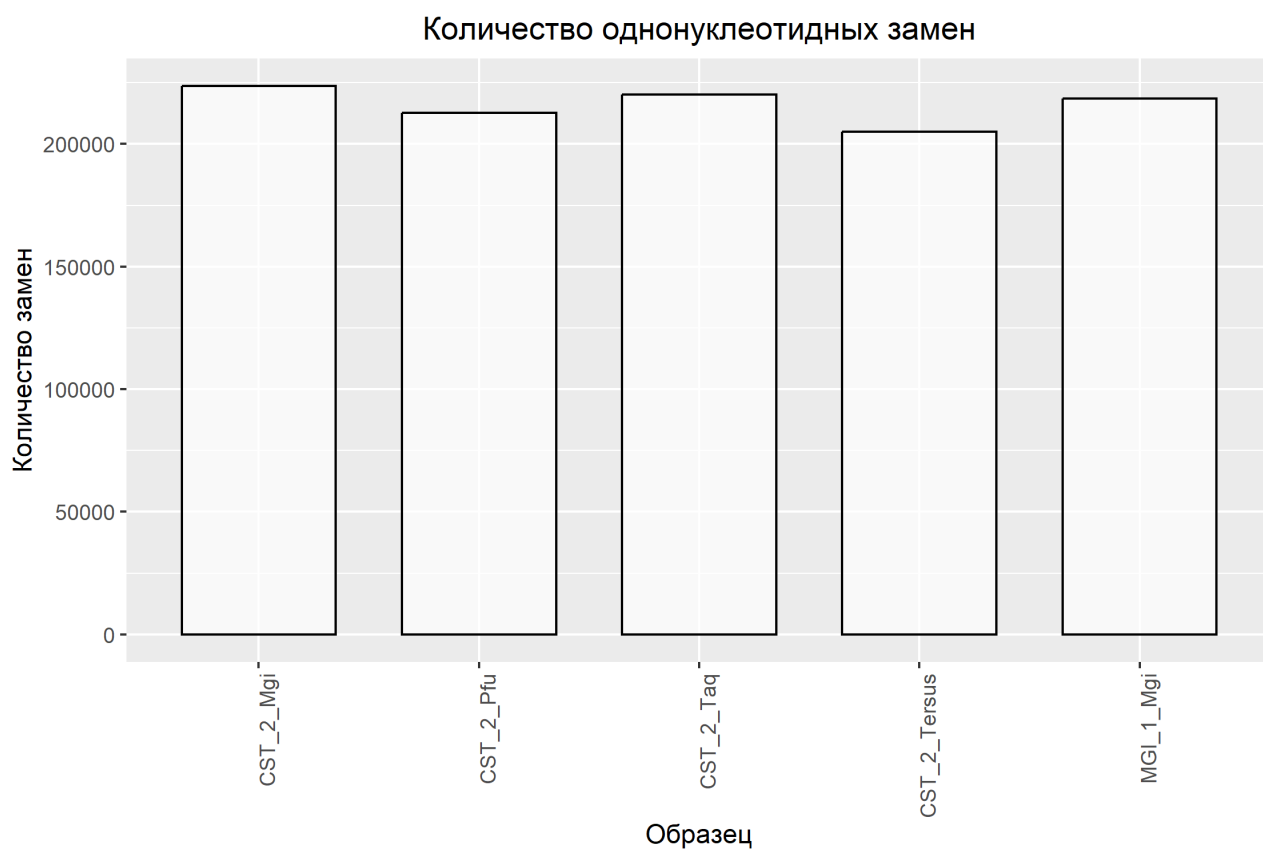


Рис. 9: Среднее количество однонуклеотидных замен по образцам

Состав делеций

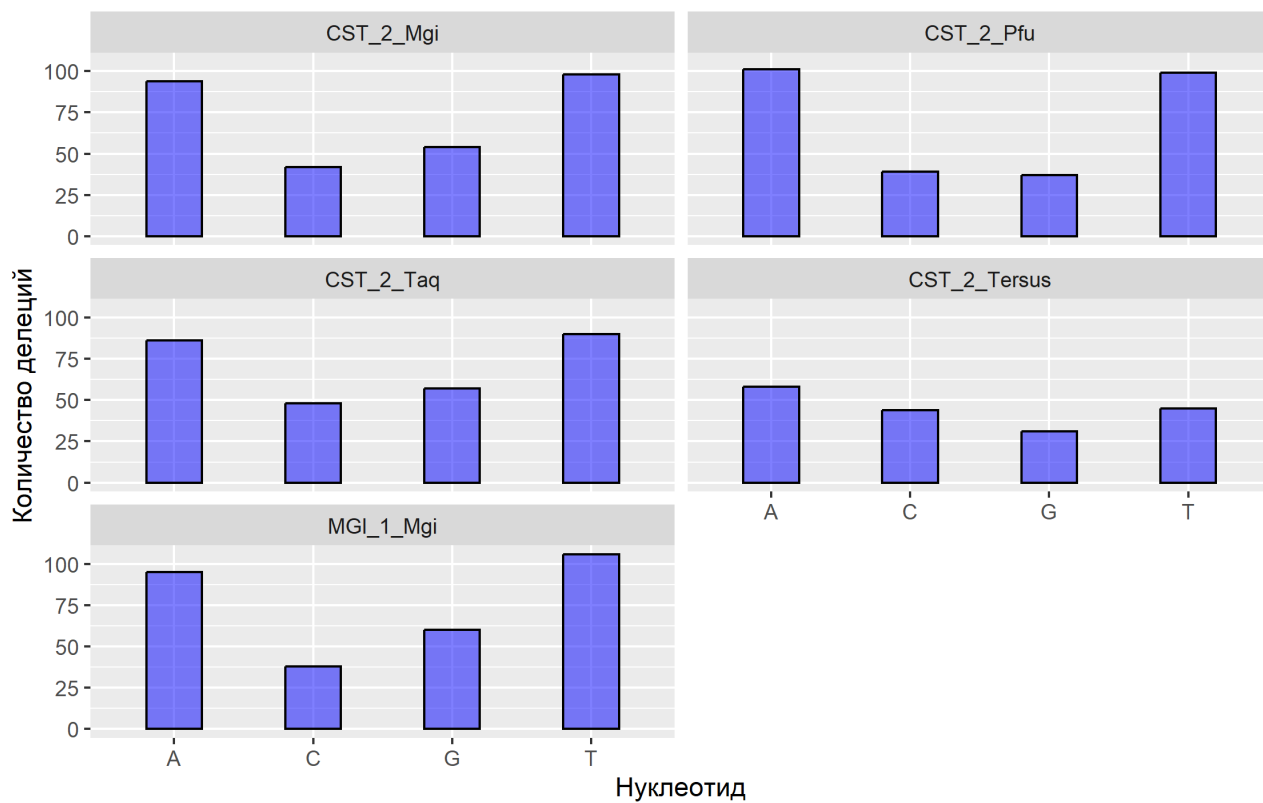


Рис. 10: Делеции по нуклеотидам

Состав вставок

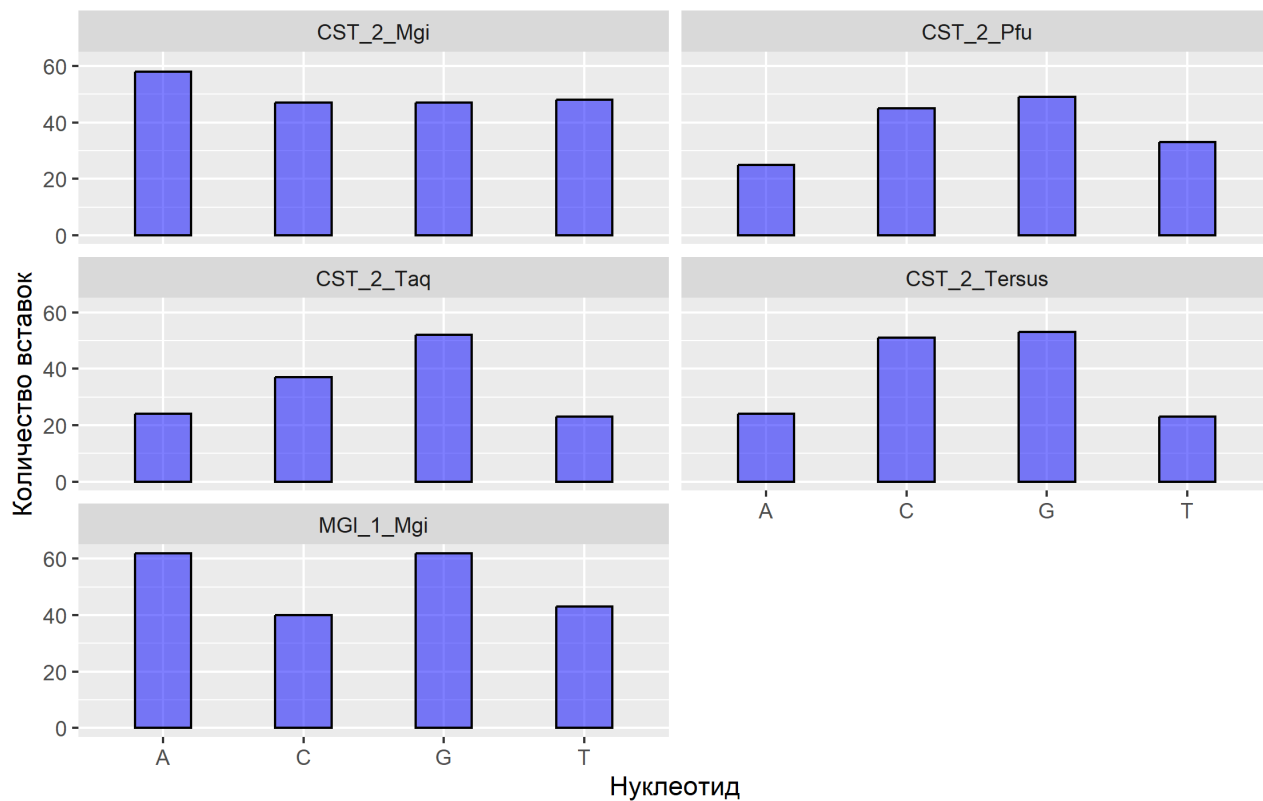


Рис. 11: Вставки по нуклеотидам

Статистика длины делеции

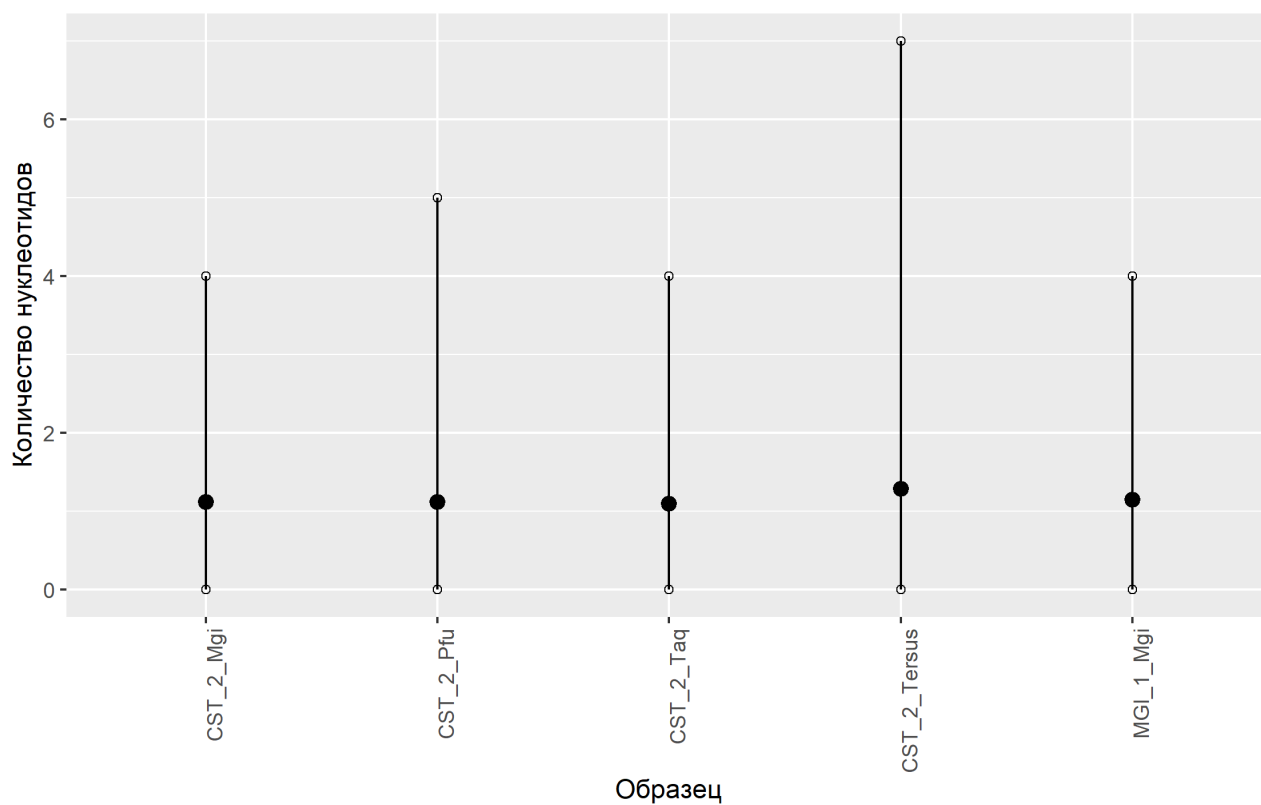


Рис. 12: Длина делеций по образцам

Статистика длины вставки

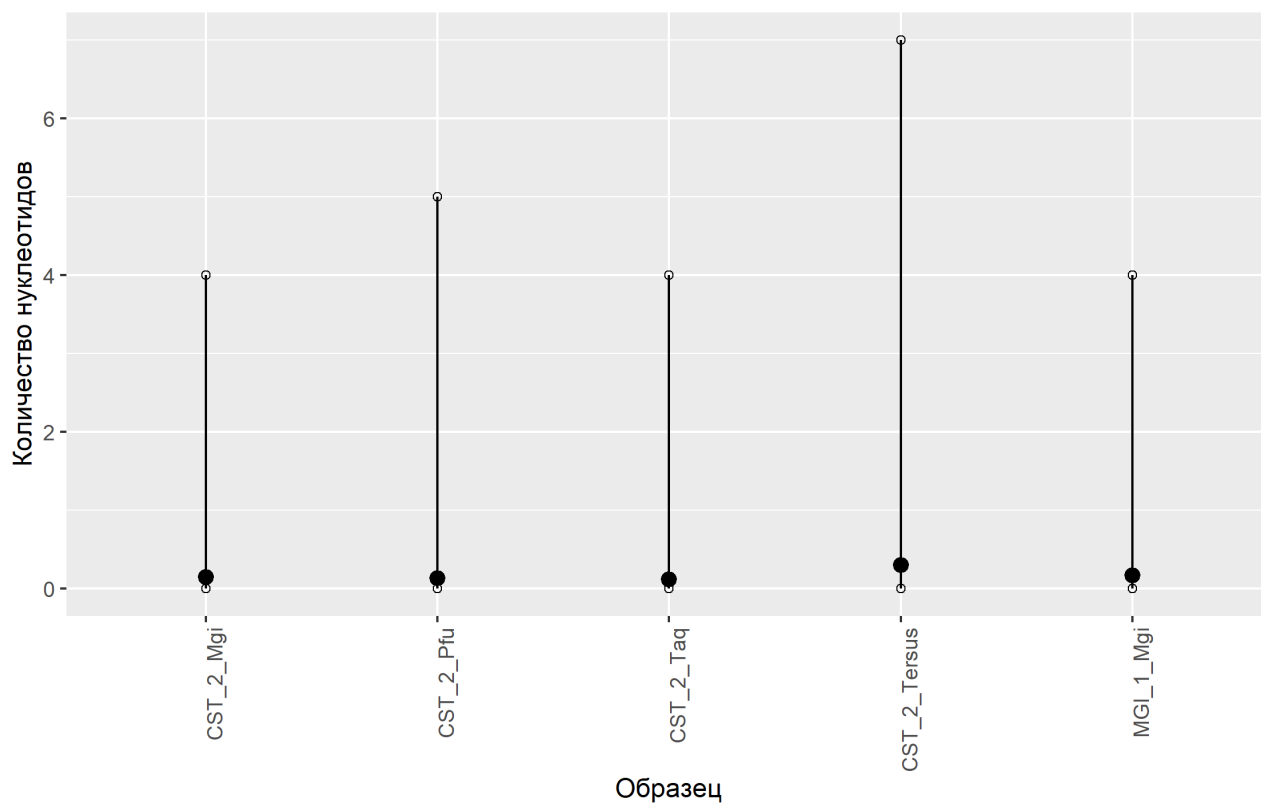


Рис. 13: Длина вставок по образцам

Число делеций на цикл

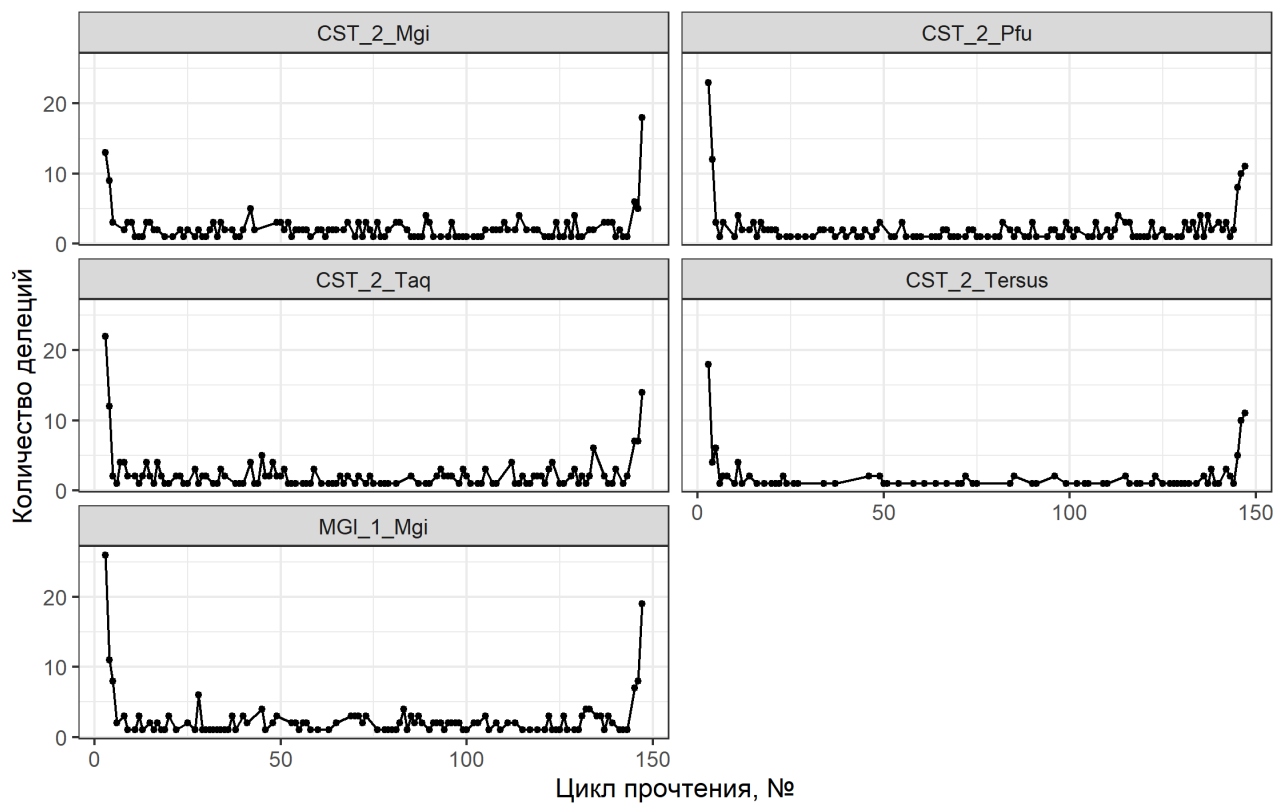


Рис. 14: Количество делеций по циклам

Число вставок на цикл

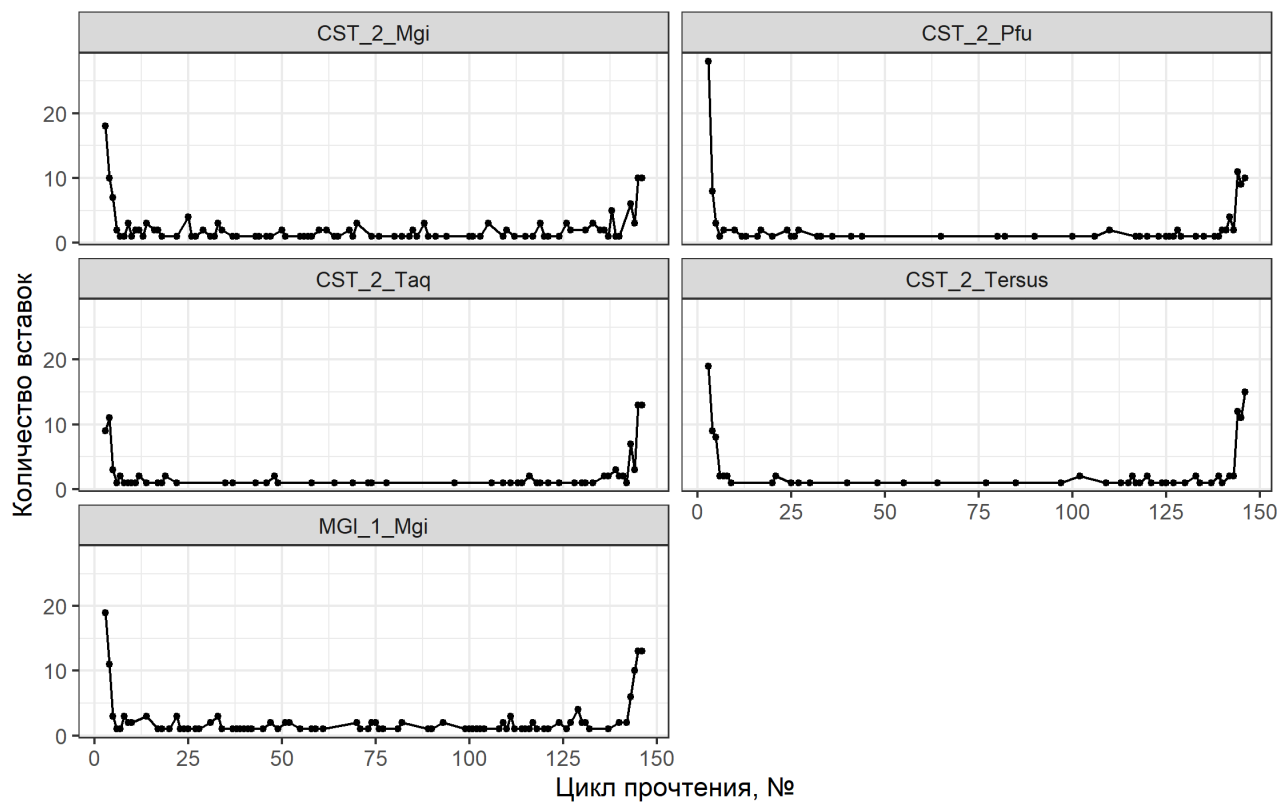


Рис. 15: Количество вставок по циклам

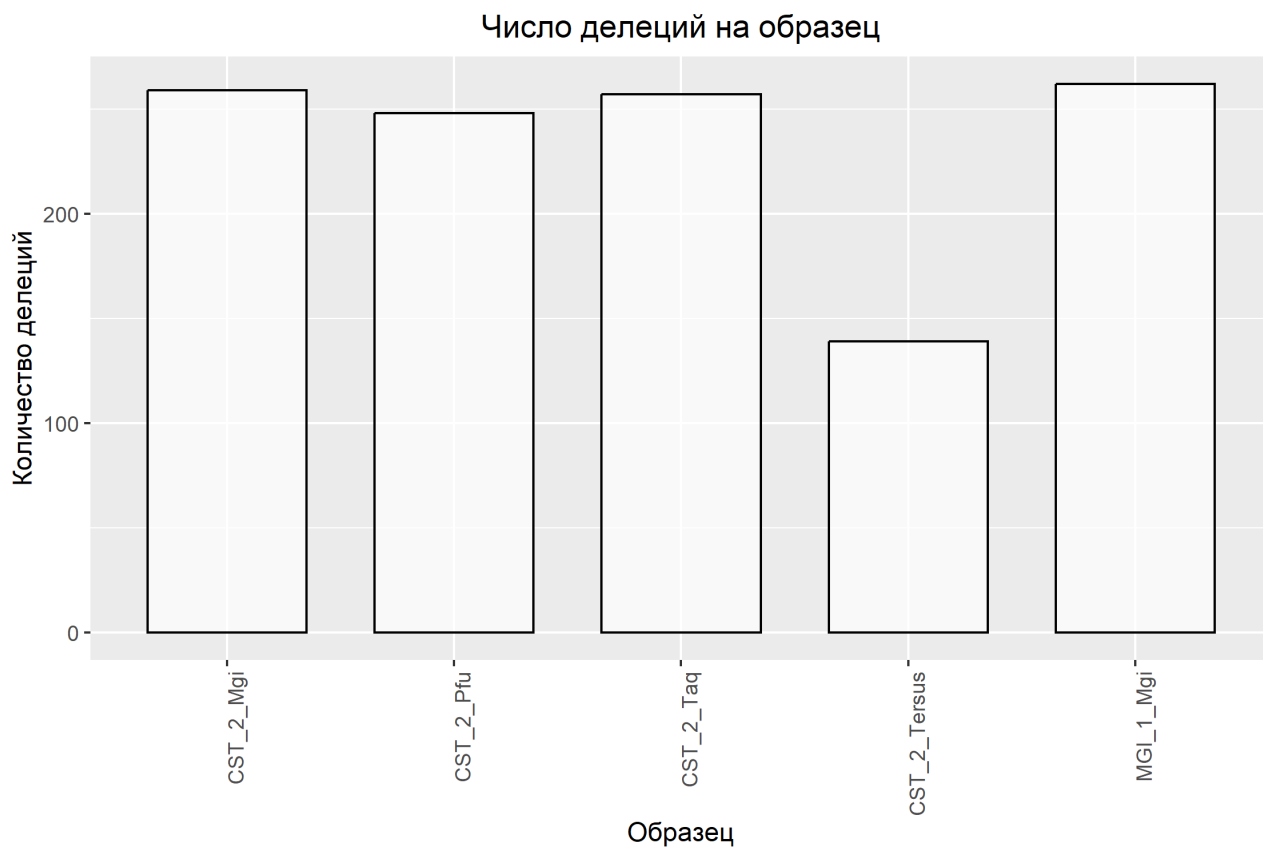


Рис. 16: Количество делеций по образцам

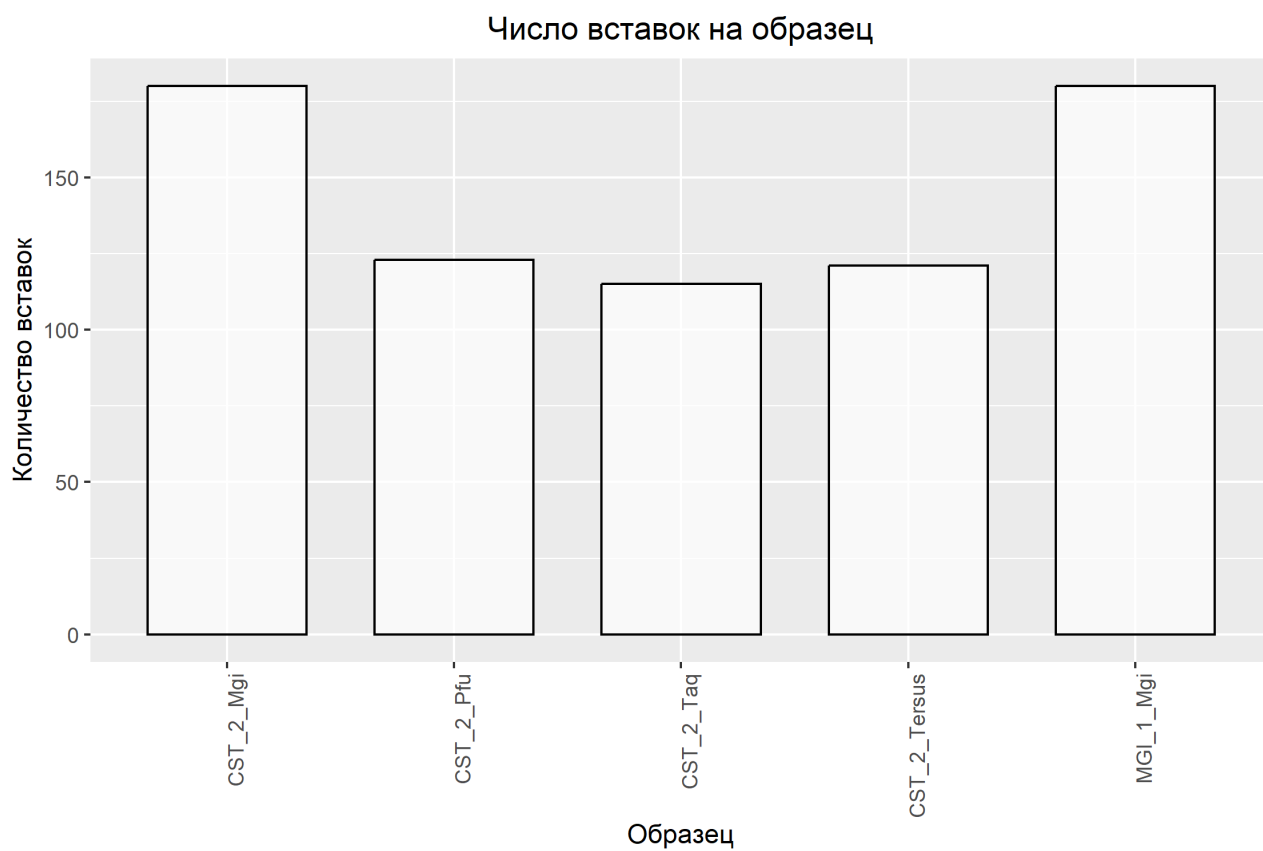


Рис. 17: Количество вставок по образцам

